



Проекты международных стандартов по фитосанитарным мерам

Консультация 2010

Проект приложения к МСФМ 27: 2010 (диагностические протоколы по регулируемым вредным организмам) Вирус шарки сливы





Outline of presentation

- Исходные данные
- Краткое содержание проекта приложения
 - Данные о вредном организме
 - Данные по таксономии вредного организма
 - Выявление и идентификация
 - Идентификация штаммов
 - Отчеты
- Вопросы, которые рассматривались при подготовке проекта





Background

- В предлагаемом приложении к МСФМ 27: 2010 (диагностические протоколы по регулируемым вредным организмам) представлены данные по вирусу шарки сливы, его выявлению и идентификации, а также идентификации его штаммов
- Проект разработан Технической комиссией по диагностическим протоколам (ТКДП). Пункт внесен в рабочую программу КФМ-1 (2006)
- Одобрен на рассмотрение на консультации комитетом по стандартам в 20XX. КС в апреле 2010 года принял решение отправить данный диагностический протокол на консультацию среди стран-членов.





Outline of draft Annex

- *В проекте протокола представлен обзор данных по вредному организму и его таксономии*
 - *Вирус шарки сливы (ВШС) поражает плодовые деревья рода Prunus. Стоимость проведение мер по управлению данным вредным организмом с 1970 года оценивается в 10, 000 миллионов евро*
 - *ВШС переносится тлями, обитающими на поле, но главным переносчиком ВШС на дальние расстояния является зараженный посадочный материал*





Outline of draft Annex – Detection and Identification

- В проекте протокола представлены специальные руководства по выявлению и идентификации ВШС при помощи биологических, серологических и молекулярных анализов
 - **Выявление ВШС биологическим методом**
 - Прививка широко используется в программах сертификации, и является надежным и чувствительным методом выявления вредного организма. Опубликованные количественные данные по специфичности и чувствительности метода, а также по выявлению данным методом отсутствуют.
 - Проведения анализа занимает некоторое время, так как требуется развитие симптом болезни





Краткое содержание проекта приложения – Выявление ВШС серологическим методом

– Выявление и идентификация ВШС серологическим методом

- Настоячиво рекомендуется для проведения скрининга больших объемов образцов*
- Два типа иммуноферментного анализа (DASI-ELISA and DAS-ELISA); наличие тест-систем для выявления ВШС описано.*





Краткое содержание проекта приложения– Молекулярный методы выявления ВШС

– Молекулярное выявление

- Молекулярные методы могут быть более дорогими и трудоемкими, чем серологические методы, но, в целом, молекулярные методы более чувствительны

– Методы, праймеры и процедуры даны для

- Полимеразной цепной реакции с обратной транскрипцией (RT-PCR)
- Иммуноуправляющей полимеразной цепная реакции с обратной транскрипцией (Immunocapture RT-PCR)
- RT-PCR с совместной амплификацией (Co-operational RT-PCR)
- RT-PCR в реальном времени (Real-time RT-PCR)





Краткое содержание проекта приложения– Идентификация штаммов

- Для идентификации штаммов ВШС, например, штаммов D и M, могут быть использованы серологические и молекулярные методы выявления
- Точное установление присутствующих штаммов не является обязательной для НОКЗР, но идентификация или классификация типа ВШС может предоставить важную информацию при первых выявлениях патогена в стране или на обширной территории





Главные вопросы, которые рассматривались при разработке диагностического протокола

- *Минимальные требования по идентификации ВШС и его штаммов*
- *Включение в протокол требований по идентификации ВШС в различных ситуациях, например, «стандартная диагностика вредного организма, широко распространенного стране» или же «выявление вредного организма в грузе, происходящем из страны, в которой, согласно заявлению, вредный организм отсутствует»*

